

Nom de la plateforme	MASS (Metabolomics Analysis of Small-molecule Signatures)
Responsable	Hubert SCHALLER et Emmanuel GAQUEREL
E-mail	mass@ibmp-cnrs.unistra.fr
Téléphone	03 67 15 52 65
Adresse complète	Institut de biologie moléculaire des plantes IBMP, 12 rue du général Zimmer, 67000 STRASBOURG
Établissement d'affiliation	CNRS
Site internet	https://www.ibmp.cnrs.fr/plateformes/metabolomics-mass/
Type d'activité de la plateforme	Métabolomique ; spectrométrie de masse ; R&D
Domaine d'activité	Métabolomique ; Lipidomique
Expertise	<p>Profilage semi-ciblé par GC-FID / GC-MS et LC-UV / LC-MS d'acides gras et de leurs dérivés oxydés, de triterpènes, de stérols, de terpénoïdes et de dérivés phénoliques.</p> <p>Profilage ciblé par LC-MS de métabolites primaires (sucres, acides organiques et acides aminés).</p> <p>Profilage ciblé par LC-MS de nucléotides modifiés d'acides nucléiques.</p> <p>Analyse métabolomique (non-ciblée) par GC-MS du métabolisme central carboné.</p> <p>Analyse métabolomique (non-ciblée) par LC-MS haute résolution.</p> <p>Expertise approfondie dans l'analyse computationnelle (open source) de données métabolomiques couvrant le processing, l'annotation ainsi que l'analyse statistique de celles-ci.</p>
Description	<p>Metabolomics Analysis of Small-molecule Signatures</p> <p>L'IBMP dispose d'une expertise internationalement reconnue dans l'étude ciblée du métabolisme et l'analyse à très haute résolution des métabolomes. Ce savoir-faire, soutenu par les activités de recherche de plusieurs équipes de l'IBMP, permet de combiner des compétences uniques, intégrées à la plateforme MASS de métabolomique. Cette plateforme, adossée aux équipes de recherche, propose un large éventail de méthodes analytiques, à la fois ciblées et exploratoires.</p>
Mots clés	métabolisme central, métabolomique non-ciblée et ciblée, lipides, stérols, ...
Secteur	Public
Localisation	Alsace
Gouvernance	<p>Plateforme d'une unité de recherche CNRS</p> <p>Responsable d'unité Philippe GIEGE - Responsables de plateforme Hubert SCHALLER, Emmanuel GAQUEREL</p>
Outils et techniques proposées	Techniques de chimie extractive et préparation d'échantillons, chromatographies gazeuses et liquides, spectrométrie de masse, et mises au point méthodologiques.
Utilisations actuelles et potentielles	Équipes de recherche académiques et privées
Prestations	De la préparation d'échantillons et l'analyse et la mise en forme des données. Grille tarifaire sur demande. Collaborations possibles.
Utilisateurs	Équipes de l'unité (majoritaire) Équipes externes en France et à l'étranger
Équipements	<p>Chromatographie en phase gazeuse : GC-qqqMS (Bruker), GC-MS (Agilent), GC-ToFMS (Leco) et GC-FID (Agilent)</p> <p>Chromatographie en phase liquide : UPLC-PDA-qToFMS (Bruker), UPLC-qqqMS (Bruker), HPLC semi-préparative-PDA-qMS (Agilent / Waters), UPLC-PDA (Waters) et HPLC-PDA (Agilent)</p>

	Imagerie par spectrométrie de masse : (UPLC)-FT-ICRMS (Solarix Bruker) (et HTX M5 Sprayer [HTX Technologies] et cryomicrotome [Thermo Scientific]) Système d'analyse de surface d'extraction liquide (LESA Advion, connectable à UPLC-PDA-qToFMS) Système HPTLC (Chromacim) Préparation d'échantillons SPE
Valeur totale approximative des équipements	2000 k€
Constitution d'une base de données	Utilisation des bases de données publiques
Effectif de la plateforme	1 IE CDD CNRS, 1PR UNISTRA, 1DR CNRS
Labellisation	IBISA, 2021
Certification	Pas de certification ISO
Financements	Essentiellement via l'unité hébergente
Perspectives et projets à court terme	Recherche de collaborations publiques et privées
Besoins	Equipements ; personnel ;
Commentaires Quels sont vos attentes vis-à-vis du Cancéropôle ?	Identification de partenaires sur projets analytiques