

<b>Nom de la plateforme</b>	Epitranscriptomique & Séquençage (EpiRNA-Seq)
<b>Responsable</b>	Dr Virginie MARCHAND
<b>E-mail</b>	<a href="mailto:virginie.marchand@univ-lorraine.fr">virginie.marchand@univ-lorraine.fr</a>
<b>Téléphone</b>	03 72 74 66 69
<b>Adresse complète</b>	UMS2008/US40 IBSLor Biopôle 9 avenue de la Forêt de Haye 54505 VANDOEUVRE LES NANCY
<b>Etablissement d'affiliation</b>	Université de Lorraine, CNRS, INSERM
<b>Site internet</b>	<a href="https://umsibslor.univ-lorraine.fr/fr/plateforme/epitranscriptomique-sequencage-epirna-seq">https://umsibslor.univ-lorraine.fr/fr/plateforme/epitranscriptomique-sequencage-epirna-seq</a>
<b>Type d'activité de la plateforme</b>	R&D
<b>Domaine d'activité</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>- Génomique / transcriptomique</li> <li>- Bio-informatique</li> <li>- Biologie moléculaire</li> </ul>
<b>Expertise</b>	Labellisation Star-LUE (programme INFRA+ Lorraine Université d'Excellence), Labellisation IBISA (GIS-IBISA)
<b>Description</b>	La plateforme de épitranscriptomique et séquençage de l'UMS2008/US40 IBSLor est spécialisée et mondialement reconnue dans l'identification et la quantification des nucléotides modifiés au sein des ARN (Epitranscriptomique). Selon les projets de séquençage (de taille et d'importance différentes), la plateforme dispose d'un appareil de haut-débit Illumina Nextseq 2000, et d'un appareil de moyenne gamme MiSeq v3. L'ensemble de ces équipements permet d'optimiser au mieux le coût et la productivité. La plateforme dispose également d'appareils associés pour la fragmentation précise de l'ADN ou de l'ARN (Covaris M220) et pour la vérification de la qualité des échantillons et des bibliothèques de séquençage (électrophorèse capillaire Agilent BioAnalyzer 2100 et TapeStation 4150). La plateforme fonctionne par prestations de service pour les partenaires académiques (tarif préférentiel) ou industriels.
<b>Mots clés</b>	Next Generation Sequencing, Epitranscriptome, RNA-seq, small RNA-seq
<b>Secteur</b>	Public
<b>Localisation</b>	Lorraine
<b>Gouvernance</b>	UMS2008/US40 IBSLor, Directeur : Y. MOTORIN
<b>Outils et techniques proposées</b>	Analyse des ARN par les techniques de Ribometh-Seq, Alkaniline-Seq, HydraPsi-Seq, Bisulfite-Seq, RNA-Seq, Small RNA-Seq (miRNAs et snoRNAs) et bioinformatique associée.
<b>Prestations</b>	Pour connaître nos tarifs et nos services : merci de consulter notre site internet : <a href="https://umsibslor.univ-lorraine.fr/fr/plateforme/epitranscriptomique-sequencage-epirna-seq">https://umsibslor.univ-lorraine.fr/fr/plateforme/epitranscriptomique-sequencage-epirna-seq</a>
<b>Utilisateurs</b>	Utilisateurs Académiques (locaux, nationaux et internationaux) et Industriels (internationaux)
<b>Activité cancer</b>	40 %
<b>Équipements</b>	Nextseq2000, Miseq, TapeStation 4150, Bioanalyzer 2100, Pippin-prep, Sonicateur, Nanodrop One, Serveurs bioinformatiques
<b>Valeur totale approximative des équipements</b>	500 000 €
<b>Effectif de la plateforme</b>	3,8 ETP / 5 personnes / 1 PrEx (CDI), 1 IR1 (CDI), 1 TCex (CDI), 2 AI (CDD)
<b>Labellisation</b>	Star-LUE (INFRA+, LUE), avril 2019 ; IBISA, novembre 2021
<b>Financements</b>	CNRS, UL

<b>Réseaux</b>	Réseau européen COST Epitran ( <a href="https://epitran.eu/">https://epitran.eu/</a> )
<b>Partenaires et collaborations</b>	De nombreuses collaborations nationales (CRCL Lyon, IGH Montpellier, ... et internationales (Université de Mayence, Université de Lausanne,
<b>Perspectives et projets à court terme</b>	Notre plateforme est ouverte à toute demande de collaborations sur des projets épitranscriptomiques
<b>Références</b>	<p>Ringeard M, Marchand V, Decroly E, Motorin Y, Bennasser Y. FTSJ3 is an RNA 2'-O-methyltransferase recruited by HIV to avoid innate immune sensing. Nature. 2019 Jan 9.10.1038/s41586-018-0841-4</p> <p>Schöller E, Marks J, Marchand V, Bruckmann A, Powell CA, Reichold M, Mutti CD, Dettmer K, Feederle R, Hüttelmaier S, Helm M, Oefner P, Minczuk M, Motorin Y, Hafner M, Meister G. Balancing of mitochondrial translation through METTL8-mediated m3C modification of mitochondrial tRNAs. Mol Cell. 2021 Nov 8:S1097-2765(21)00910-2. 10.1016/j.molcel.2021.10.018</p> <p>Marchand V, Ayadi L, Ernst FGM, Hertler J, Bourguignon-Igel V, Galvanin A, Kotter A, Helm M, Lafontaine DLJ, Motorin Y. AlkAniline-Seq: profiling of m7G and m3C RNA modifications at single nucleotide resolution. Angew Chem Int Ed Engl.2018 Oct 29. 10.1002/anie.201810946</p>
<b>Besoins</b>	Expertises
<b>Commentaires</b> Quels sont vos attentes vis-à-vis du Cancéropôle ?	Une visibilité de notre plateforme à tous les membres du Cancéropôle, une ouverture de notre expertise au domaine de la cancérologie